

質量分析を用いたバイオマーカー探索

1) ダイレクトプロテオミクス

タンパク質を酵素消化することなく、そのまま解析する方法

MALDI-MS (Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionization Mass Spectrometry)

SELDI-MS (Surface Enhanced Laser Desorption/Ionization Mass Spectrometry)

2) ショットガンプロテオミクス

タンパク質を酵素消化し、性状が均一なペプチドとして解析する方法

●安定同位体標識

ICAT (isotope-coded affinity tagging)

iTRAQ (isobaric tagging for relative and absolute quantitation)

●無標識法

2DICAL (2-Dimensional Image Converted Analysis of Liquid chromatography and mass spectrometry)