悪性脳腫瘍克服のための新規治療標的及びバイオマーカーの創出に向けた多施設共同研究による小児頭蓋内悪性腫瘍の遺伝子解析 研究概要の公開原稿 改訂第 3.1 版 2021 年 8 月 1 日

悪性脳腫瘍克服のための新規治療標的及びバイオマーカーの創出に向けた多施設共同研究による小児頭蓋内悪性腫瘍の遺伝子解析

1. 研究の対象

2002 年 1 月から 2011 年 5 月 12 日までの間に説明文書「検査試料、生検組織、摘出標本などのがん研究への利用に関するお願い」により同意の得られた脳腫瘍の患者さんと、2011 年 5 月 13 日以降 2021 年 3 月 31 日までの間に「診療目的で採取された血液・組織などの医学研究への利用と、研究用採決へのご協力のお願い」により同意の得られた脳腫瘍の患者さんの、血液、髄液および手術で摘出された標本のうち病理組織診断で使用しない余剰検体を研究資料といたします。また日本小児がん研究グループ(JCCG)、日本小児分子脳腫瘍グループ(JPMNG)、頭蓋内胚細胞腫ゲノム解析コンソーシアム(iGCT Consortium)などの全国的な脳腫瘍共同研究グループと連携し、これらのグループに集められた検体も研究の対象といたします。

2. 研究目的 方法

脳腫瘍は大変重篤になることがある病気であるにもかかわらず、どのように発生するかな どについては今まで不明でした。近年、次世代シークエンサーという革新的な技術によって 全ての遺伝子を網羅的に調べることが可能になり、この方法を使ってすでに様々ながんに ついて新しい治療法が開発されています。この研究では、脳腫瘍の患者さんの血液、髄液、 病理標本と凍結組織を用いて、脳腫瘍の遺伝子やたんぱく質におこる様々な異常を、国立が ん研究センターに設置されている次世代シークエンス、サンガーシークエンス、パイロシー クエンス、マイクロアレイなどの最先端の技術を駆使し、脳腫瘍の遺伝子異常を解析します。 血液の解析は、腫瘍組織に見られた解析結果が腫瘍だけに見られる物であることを確認す るために行ないます。また遺伝子多型と呼ばれる、病気になりやすさに関連する可能性のあ る所見を調べることもあります。また一部の解析は東京大学、大阪大学、京都大学、筑波大 学を含む共同研究機関でも行われます。またカナダ、米国の共同研究機関で解析が行われる 可能性もあります。この研究により、より優れた診断法や治療法が開発されるという意義が あります。また脳腫瘍の組織から腫瘍の細胞を培養または実験動物に移植することにより、 脳腫瘍のモデルを作成することができます。脳腫瘍のモデルは、新たな治療法を開発するた めに大変役立ちます。さらに脳腫瘍は稀な病気ですので、全国的な共同研究グループを通し て多くの検体を集めて解析することにより、日本の患者さんの特色を反映した信頼性の高 い結果を得ることができます。以上のように、この研究では様々な種類の脳腫瘍にそれぞれ 特徴的な遺伝子変異などを特定することによってこれらの腫瘍の成り立ちを解明し、診断 法の向上や治療方法の選択に役立てること、さらには脳腫瘍のモデルを使って新たな分子 標的治療薬を開発することを目指します。研究期間は研究許可日から 2026 年 3 月 31 日ま でとします。

悪性脳腫瘍克服のための新規治療標的及びバイオマーカーの創出に向けた多施設共同研究による小児頭蓋内悪性腫瘍の遺伝子解析 研究概要の公開原稿 改訂第 3.1 版 2021 年 8 月 1 日

3. 研究に用いる試料・情報の種類

研究に用いる試料・情報は、脳腫瘍の患者さんの血液、髄液、病理標本と凍結組織等です。 組織については、国立がん研究センターまたは共同研究機関において手術によって摘出さ れ、診断に必要な検査が行われた後で凍結保存されている脳腫瘍組織と非腫瘍組織の一部 から、DNA, RNA(遺伝子を含む物質)を抽出します。これらのうち遺伝子に相当する部分に 対して、国立がん研究センターに設置されている次世代シークエンサー、サンガーシークエ ンス、パイロシークエンス、マイクロアレイなどにより解析を行います。次世代シークエン スは東京大学、キャピラリー電気泳動―質量分析計を使ったメタボローム解析は慶応大学、 パイロシークエンスなどを使った解析は株式会社エスアールエルなどでも行われます。診 断の終わった病理組織標本を用いて免疫組織化学などの方法で遺伝子・たんぱく質の変化 も調べます。また脳腫瘍組織を直接培養したり移植したりすることがあります。この研究の ために予定された手術の方法や切除範囲が変わることはありません。通常の顕微鏡などに よる病理組織検査に支障を来たさない場合にのみ、凍結組織は採取され使用されます。 個人に関わる情報としては、年齢、性別、病理診断、手術日、病歴、治療の内容、画像情報、 各種検査データ等が用いられます。患者さんの検体や診療情報からは住所、氏名などは削ら れ新しく符号がつけられます(匿名化)。これらの解析結果については、国立がん研究セン ターには守秘義務があり、患者さん及びご家族のプライバシーの保護には十分注意いたし ます。匿名化された情報は厳重に保管します。したがって、学会や学術誌などへの研究成果 の発表またはデータベースへの登録などによって、患者さんの個人情報が漏れたり、特定さ れたりすることはありません。

4. 外部への試料・情報の提供・公表

この研究により得られたデータは非常に重要ですので、多くの研究者に提供することにより病気の原因の解明や治療法・予防法の確立に広く役立てられる可能性があります。このため、個人情報が特定できないようにした上でデータを学会や学術誌で発表し、また厳正な審査を受けて承認された研究者にのみ利用を許可された公的データベース(例: Gene Expression Omnibus (https://www.ncbi.nlm.nih.gov/geo/)、バイオサイエンスデータベースセンター (https://biosciencedbc.jp/))に登録するなどして、審査を経て許可された研究者と情報を共有することがあります。データセンターまたは共同研究者へのデータの提供は、特定の関係者以外がアクセスできない状態で行います。対応表は当センターの研究責任者が保管・管理します。

5. 研究組織

国立がん研究センター研究所 脳腫瘍連携研究分野 鈴木啓道 国立がん研究センター中央病院 脳脊髄腫瘍科 成田善孝 埼玉医科大学国際医療センター/包括的がんセンター 脳脊髄腫瘍科 西川亮 東京大学医学部 脳神経外科 武笠晃丈 悪性脳腫瘍克服のための新規治療標的及びバイオマーカーの創出に向けた多施設共同研究による小児頭蓋内悪性腫瘍の遺伝子解析 研究概要の公開原稿 改訂第 3.1 版 2021 年 8 月 1 日

獨協医科大学 腫瘍センター 植木敬介 杏林大学医学部 脳神経外科 永根基雄 順天堂大学大学院医学研究科脳疾患連携分野研究講座 市村幸一 その他頭蓋内胚細胞腫ゲノム解析コンソーシアム (iGCT Consortium) 79 施設 研究分担機関:東京大学、京都大学、大阪大学、筑波大学、など

6. 問い合わせ先

本研究に関するご質問等がありましたら下記の連絡先までお問い合わせ下さい。

ご希望があれば、他の研究対象者の個人情報及び知的財産の保護に支障がない範囲内で、研究計画書及び関連資料を閲覧することが出来ますのでお申出下さい。

また、試料・情報が当該研究に用いられることについて、患者さんもしくは患者さんの代理 人の方にご了承いただけない場合には研究対象としませんので、下記の連絡先までお申出 ください。

この場合も患者さんに不利益が生じることはありません。

照会先および研究への利用を拒否する場合の連絡先: 国立がん研究センター 脳脊髄腫瘍科 成田善孝 〒104-0045 東京都中央区築地5-1-1 FAX 03-3542-2530 TEL 03-3542-2511

研究責任者:

国立がん研究センター 脳脊髄腫瘍科 成田善孝

研究代表者

国立がん研究センター 脳脊髄腫瘍科 成田善孝