

2023年5月24日
学校法人帝京大学
国立研究開発法人国立がん研究センター
国立研究開発法人科学技術振興機構(JST)

がん細胞の抗がん剤抵抗性を担う分子メカニズムを解明 ～オートファジーを標的とした新しい大腸がん治療法開発に期待～

ポイント

- 大腸がん組織の中では抗がん剤感受性を示す細胞と抵抗性を示す細胞が混在していますが、オートファジーの活性化が増殖の遅い抗がん剤抵抗性細胞の生成に繋がることを発見しました。
- 大腸がんのオートファジー活性化には転写因子 PROX1 の誘導が関与しますが、PROX1 は細胞の増殖を促進する mTORC1 キナーゼの働きを抑えます。一方、mTORC1 の抑制は PROX1 活性の上昇をもたらします。このように抗がん剤抵抗性細胞は PROX1、mTORC1 を介したフィードバック制御により維持されることを明らかにしました。
- 既存の抗がん剤とオートファジー阻害剤の併用により、大腸がん細胞の増殖を相乗的に阻害することを見出しました。
- 今後、この研究成果に基づき、オートファジー経路の阻害による新しい大腸がん治療法が開発が期待されます。

帝京大学先端総合研究機構の岡本康司教授らは、国立がん研究センター研究所の浜本隆二分野長・金子修三ユニット長らとの共同研究で、大腸がんの抗がん剤抵抗性^{注1)}の維持に働く新しい分子メカニズムを発見しました。

がん治療において、抗がん剤治療後も生き残る抵抗性細胞はがんの再発を引き起こすため、その分子メカニズムを解明し、抵抗性細胞に対する治療法を発見することが強く望まれていました。

本研究グループは、大腸がん患者由来オルガノイド^{注2)}やマウス移植腫瘍を用いて、オートファジー^{注3)}の活性化が PROX1^{注4)}陽性の抗がん剤抵抗性細胞を誘導することを見出しました。また、PROX1 は mTORC1^{注5)}を介したフィードバック制御により、抗がん剤抵抗性細胞の特性維持に働くという新しい分子機構を明らかにしました。さらに、既存の抗がん剤とオートファジー阻害剤を併用することにより、大腸がんを相乗的に阻害することを見出しました。

本研究結果により、今後はオートファジー経路を標的とした新規阻害剤の開発、および大腸がんに対する新しい治療法の発展が期待されます。

本研究結果は、2023年5月23日(米国東部時間)に米国科学誌「Cell Reports」のオンライン版に掲載されました。

本成果は、以下の事業・研究領域・研究課題によって得られました。

戦略的創造研究推進事業 チーム型研究 (CREST)

研究領域：「多細胞間での時空間的相互作用の理解を目指した定量的解析基盤の創出」
(研究総括：松田道行)

研究課題：「マルチオミクス1細胞解析による難治がん組織空間の数理的再構成」
(グラント番号 JPMJCR2122)

研究代表者：帝京大学先端総合研究機構教授 岡本康司

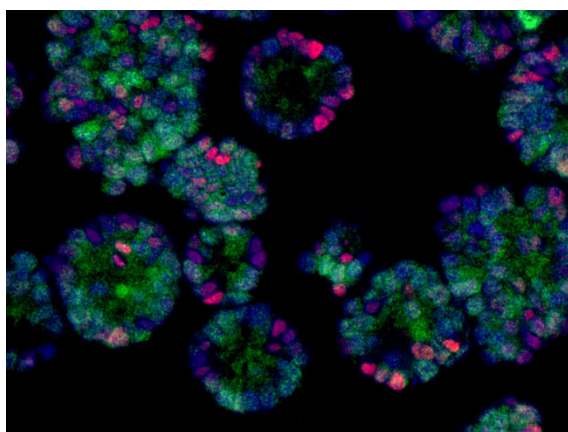
研究期間：2021 (令和3) 年10月～2027 (令和9) 年3月

<研究の背景と経緯>

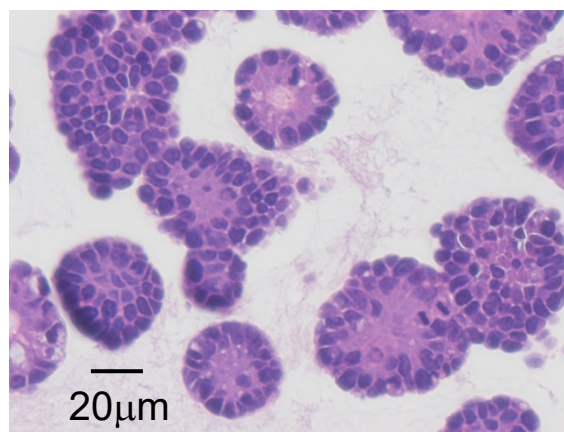
国民の二人に一人が「がん」に罹患する現代において、がんを根治する革新的な治療法の開発が待ち望まれています。がんの内科的治療において、抗がん剤等に対する耐性の獲得は、がんの再発や転移に繋がるため、がん患者の予後と深く関連しています。そのため、抗がん剤抵抗性が生じる分子メカニズムの解明および有効な治療標的の発見が強く望まれていました。

これまでに岡本教授らの研究グループでは、大腸がん手術検体よりオルガノイド形成等によるがん三次元培養細胞系を樹立し、その中に存在する大腸がん幹細胞^{注6)}を対象とした研究を行ってきました。その結果、NOX1 オキシダーゼによる活性酸素種の生産に起因する mTORC1 キナーゼの活性化が大腸がん幹細胞の増殖に重要であることを報告しました^{注7)}。また、オルガノイドやマウス移植腫瘍を用いた解析により、大腸がん組織には増殖型のがん幹細胞と休止型 (増殖の極めて遅い状態) のがん幹細胞が混在することがわかりました (図1)。さらに、休止型がん幹細胞が抗がん剤に強い抵抗性を示すこと、転写因子である PROX1 が休止型がん幹細胞の抗がん剤抵抗性に重要であることを報告しました^{注8)}。

そこで本研究では、PROX1 陽性休止型がん幹細胞がどのように抗がん剤抵抗性を獲得・維持するのか、その分子メカニズムを解明することを目的としました。



PROX1 / p-4EBP1 / Hoechst



H & E 染色した画像

図1 大腸がんオルガノイドの免疫染色画像

休止型がん幹細胞 (PROX1 陽性) と増殖型細胞 (p-4EBP1 陽性) が混在する。

<研究の内容>

本グループでは、大腸がん患者由来オルガノイドやマウス移植腫瘍を用いて、抗がん剤抵抗性を誘導する分子機構を解析しました。一般的に細胞中で mTORC1 を阻害するとオートファジーが活性化されることが知られていますが、mTORC1 阻害剤 (Torin1、Everolimus 等) により抗がん剤抵抗性細胞のマーカである PROX1 の発現が誘導されることを確認しました。一方、ChIP-seq 解析^{注9)}等の研究手法を用いた結果、誘導された PROX1 は NOX1-mTORC1 経路を抑制することにより、PROX1 高発現を維持し抗がん剤抵抗性に寄与することが明らかになりました (図2)。さらに、既存の抗がん剤とオートファジー阻害剤の併用により、大腸がん細胞の増殖を相乗的に阻害することを見出しました (図3)。

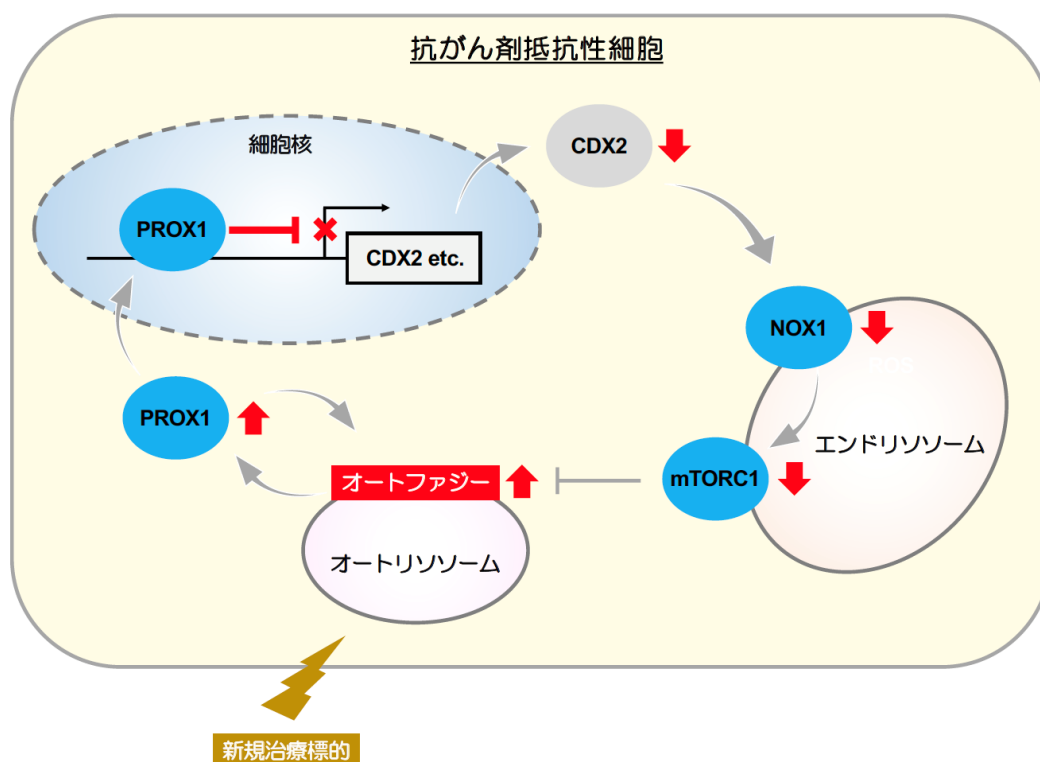


図2 抗がん剤抵抗性獲得の分子メカニズム

様々な刺激によるオートファジー活性化により、PROX1 発現が誘導される。

誘導された PROX1 は転写制御因子 CDX2 を介して NOX1-mTORC1 経路を抑制する。

mTORC1 の抑制は PROX1 高発現を促し、抵抗性維持のフィードバック制御回路が形成される。

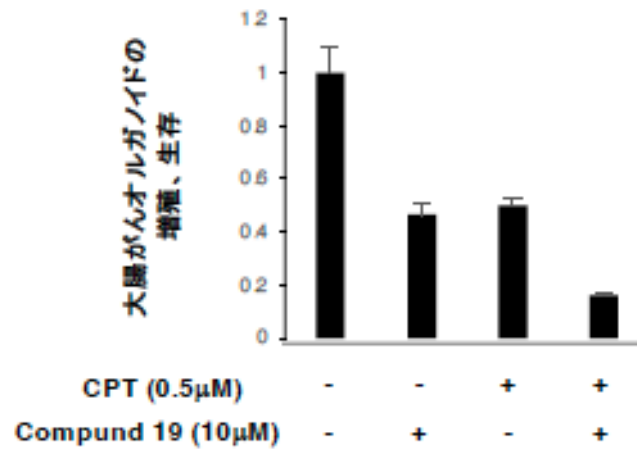


図3 抗がん剤とオートファジー阻害剤の併用による大腸がん細胞の相乗抑制効果

オートファジー阻害剤(Compound 19)と標準抗がん剤である Camptothecin (CPT)を同時に投与したところ、大腸がんオルガノイド細胞の増殖、生存が相乗的に抑制された。オートファジー阻害剤と標準抗がん剤の併用により、がん細胞の増殖を相乗的に阻害できる。

<今後の展開>

本研究成果により、抗がん剤抵抗性に関与するオートファジー制御分子の同定やオートファジー経路を標的とした新しい種類の抗がん剤の開発、大腸がんに対する新しい治療法への展開が期待されます。

<用語解説>

注1) 抗がん剤抵抗性

がん細胞が抗がん剤に抵抗性を示すこと。治療の初めから効かない場合と治療を続けるうちに効かなくなる場合があるが、がんの根治を阻む主要な原因と考えられる。

注2) オルガノイド

細胞外マトリクス等の生体間質組織の存在下で形成される細胞構造体。幹細胞や前駆細胞、分化細胞等からなる元の臓器の細胞組成を反映すると考えられる。生体組織の高次構造や細胞間相互作用の研究等に利用される。

注3) オートファジー

細胞内のタンパク質をリソソームで分解するための仕組みの一つ。細胞内での異常タンパクの蓄積の抑制や、低栄養環境におけるタンパク質のリサイクル等を行うことで生体の恒常性維持に関与する。

注4) PROX1

発生過程で重要な役割を果たすと考えられる転写制御因子。発生以外に癌化への関連も報告されている。

注 5) mTORC1

主要な増殖制御因子として働くことが知られているキナーゼ複合体。細胞内の栄養素、エネルギー、酸化還元状態のセンサーとして働き、タンパク質合成、細胞の成長を促進する一方、オートファジーを抑制することが知られている。

注 6) がん幹細胞

腫瘍組織内に存在し、正常組織における幹細胞と同様に自己複製能や分化能等の幹細胞性を有する細胞群。がんの発生や抗がん剤抵抗性等に深く関与すると考えられている。

注 7) Ohata et al., 2019, Cell Reports, vol.28, 1282-1295

DOI : 10.1016/j.celrep.2019.06.085

注 8) Shiokawa et al., 2020, Cancer Res., vol.80, 4451-4464

DOI : 10.1158/0008-5472.CAN-20-0378

注 9) ChIP-seq 解析

ChIP-seq (Chromatin Immunoprecipitation Sequencing) 解析は、ゲノム全体でタンパク質と DNA の相互作用を研究するための実験手法の一つ。ChIP-seq 解析は、主に転写因子やヒストン修飾のようなクロマチンタンパク質が結合している特定の DNA 領域を同定するのに用いられる。

<論文掲載>

本研究成果は、米国科学誌「Cell Reports」のオンライン版に掲載されました。

掲載日時：2023年5月23日（米国東部時間）

著者名：Hirokazu Ohata*, Daisuke Shiokawa*, Hiroaki Sakai, Yusuke Kanda, Yoshie Okimoto, Syuzo Kaneko, Ryuji Hamamoto, Hitoshi Nakagama, Koji Okamoto (*共同第一著者)

論文タイトル：“PROX1 induction by autolysosomal activity stabilizes the persister-like state of colon cancer via feedback repression of the NOX1-mTORC1 pathway”

DOI : 10.1016/j.celrep.2023.112519

<お問い合わせ先>

【研究に関するお問い合わせ】

学校法人帝京大学

先端総合研究機構教授 岡本康司

〒173-0003 東京都板橋区加賀 2-21-1

電話番号：03-3964-8469

E-mail : okamoto.kouji.dm@teikyo-u.ac.jp

【JST 事業に関するお問い合わせ】

国立研究開発法人科学技術振興機構

戦略研究推進部ライフノベーショングループ 保田睦子

〒102-0076 東京都千代田区五番町 7 K's五番町

電話番号：03-3512-3524

E-mail : crest@jst.go.jp

【報道関係からのお問い合わせ】

学校法人帝京大学 本部広報課

〒173-8605 東京都板橋区加賀 2-11-1

電話番号：03-3964-4162

E-mail：kouhou@teikyo-u.ac.jp

国立研究開発法人国立がん研究センター 企画戦略局 広報企画室

〒104-0045 東京都中央区築地 5-1-1

電話番号：03-3542-2511（代表）

E-mail：ncc-admin@ncc.go.jp

国立研究開発法人科学技術振興機構 広報課

〒102-8666 東京都千代田区四番町 5-3

電話番号：03-5214-8404

E-mail：jstkoho@jst.go.jp